

1/2

FIG. 1

SVPH1-26

SEQ ID NO:1

ATGGCAGTGGGTGAGCCCCTGGTGCACATCAGGGTCACTCTTCTGCTGCT
CTGGTTTGGGATGTTTTTGTCTATTTCTGGCCACTCTCAGGCCAGGCCCT
CCCAGTATTTCACTTCTCCAGAAGTGGTGATCCCTTTGAAGGTGATCAGC
AGGGGACAGAGGTGCAAAGGCTCCTGGATGGCTCTCCTATAGCCTGCGGTT
TGGGGGACAGAGATACATTGTCCACATGAGGGTAAATAAGCTGTTGTTTG
CTGCACACCTTCCTGTGTTACCTACACAGAGCAGCATGCCCTGCTCCAG
GATCAGCCCTTCATCCAGGATGACTGCTACTACCATGGTTATGTGGAGGG
GGTCCCTGAGTCCTTGGTTGCCCTTAGTACCTGTTCTGGGGGCTTTCTTG
GAATGCTACAGATAAATGACCTTGTTTTATGAAATCAAGCCAATTAGTGTT
TCTGCCACATTTGAACACCTAGTATATAAGATAGACAGTGATGATACACA
GTTTCCACCTATGAGATGTGGGTTAACAGAAGAGAAAAATAGCACACCAGA
TGGAGTTGCAATTGTCATATAATTTCACTCTGAAGCAAAGTTCTTTTGTG
GGCTGGTGGACCCATCAGCGGTTTGTTGAGCTGGTAGTGGTCGTGGATAA
TATTAGATATCTTTTCTCTCAAAGTAATGCAACAACAGTGCAGCATGAAG
TATTTAACGTTGTCAATATAGTGGATTCCCTTCTATCATCCTTTGGAGGTT
GATGTAATTTTGACTGGAATTGATATATGGACTGCATCAAATCCACTTCC
TACCAGTGGAGACCTAGATAATGTTTTAGAGGACTTTTCTATTTGGAAGA
ATTATAACCTTAATAATCGACTACAACATGATGTTGCACATCTTTTCATA
AAAGACACACAAGGCATGAAGCTTGGTGTGCTATGTTAAAGGAATATG
CCAGAATCCTTTTAATACTGGAGTTGATGTTTTTGAAGACAACAGGTTGG
TCGTTTTTGAATTACTTTGGGCCACGAGCTTGGTCATAATTTGGGTATG
CAACATGACACCCAGTGGTGTGTGTGCGAGCTACAGTGGTGCATAATGCA
TGCCTATAGAAAGGTGACAACTAAATTTAGCAACTGCAGTTATGCCCAAT
ATTGGGACAGTACTATCAGTAGTGGATTATGTATTCAACCGCCTCCATAT
CCAGGGAATATATTTAGACTGAAGTACTGTGGGAATCTAGTGGTTGAAGA
AGGGGAGGAATGTGACTGTGGAACCATAACGGCAGTGTGCAAAGATCCCT
GTTGTCTGTAAACTGTACTCTACATCCTGGGGCTGCTTGTGCTTTTGGA
ATATGTTGCAAAGACTGCAAATTTCTGCCATCAGGAACTTTATGTAGACA
ACAAGTTGGTGAATGTGACCTTCCAGAGTGGTGCAATGGGACATCCCATC
AATGCCCAGATGATGTGTATGTGCAGGACGGGATCTCCTGTAATGTGAAT
GCCTTCTGCTATGAAAAGACGTGTAATAACCATGATATACAATGTAAAGA
GATTTTTGGCCAAGATGCAAGGAGTGCATCTCAGAGTTGCTACCAAGAAA
TCAACACCCAAGGAAACCGTTTCGGTCACTGTGGTATTGTAGGCACAACA
TATGTAAAATGTTGGACCCCTGATATCATGTGTGGGAGGGTTCAGTGTGA
AAATGTGGGAGTAATTCCTAATCTGATAGAGCATTCTACAGTGCAGCAGT
TTCACCTCAATGACACCACTTGCTGGGGCACTGATTATCATTTAGGGATG
GCTATACCTGATATTGGTGAGGTGAAAGATGGCACAGTATGTGGTCCAGA
AAAGATCTGCATCCGTAAGAAGTGTGCCAGTATGGTTCATCTGTCACAAG
CCTGTCAGCCTAAGACCTGCAACATGAGGGGAATCTGCAACAACAAACAA
CACTGTCACTGCAACCATGAATGGGCACCCCCATACTGCAAGGACAAAGG
CTATGGAGGTAGTGCTGATAGTGGCCACCTCCTAAGAACAACATGGAAG
GATTAAATGTGATGGGAAAGTTGCGTTACCTGTCACTATTGTGCCTTCTT
CCTTTGGTTGCTTTTTTATTATTTTGTCTTACATGTGCTTTTTTAAGAAACG
CACAAAAAGTAAAGAAGATGAAGAAGGATAA

2/2

FIG. 2

SVPH1-26

SEQ ID NO:2

MAVGEPLVHIRVTLLLLWFGMFLSISGHSQARPSQYFTSPEVVIPLKVIS
RGRGAKAPGWLSYSLRFGGQRYIVHMRVNKLLFAAHLPVFTYTEQHALLQ
DQPFIQDDCYHGYVEGVPESLVALSTCSGGFLGMLQINDLVYEIKPISV
SATFEHLVYKIDSDDTQFPFPMRCGLTEEKIAHQMELQLSYNFTLKQSSFV
GWWTHQRFVELVVVDNIRYLFSSQSNATTVQHEVFNVVNIVDSFYHPLEV
DVILTGIDIWTASNPLPTSGDLDNVLEDFSIWKNYNLNNRLQHDVAHLFI
KDTQGMKLG VAYVKGICQNPENTGVDFEDNRLVVFAITLGHELGHNLGM
QHDTQWCVCCELQWCIMHAYRKVTTKFSNCSYAQYWDSTISSGLCIQPPPY
PGNIFRLKYCGNLVVEEGEECDGTIRQCAKDPCLLNCTLHPGAACAFG
ICCKDCKFLPSGTLCRQQVGECDLPEWCNGTSHQCPDDVYVQDGISCNVN
AFCYEKTCNNHDIQCKEIFGQDARSASQSCYQEINTQGNRFGHCGIVGTT
YVKCWTPDIMCGRVQCENGVIPNLIEHSTVQQFHLNDTTCWGTDYHLGM
AIPDIGEVKDGTVCGPEKICIRKKCASMVHLSQACQPKTCNMRGICNNKQ
HHCNHEWAPPYCKDKGYGGSADSGPPKNNMEGLNVMGKLRYLSLLCLL
PLVAFLLFCLHVLFFKKRTKSKEDDEEG